



Centro de Documentación del FONACIT

ejecutando [Back-end Alejandría BE 6.0.2.0r](#)



Sólo un registro cumplió la condición especificada en la base de información **Fonacit**.



Autor: [Medina, Ada Mauren](#) ; [Michelangeli, Claret](#) ; [Ramis, Catalina](#)
Título: [Identificación y variabilidad genética de genotipos de onoto \(Bixa orellana L.\) mediante el uso de proteínas hidrosolubles e isoenzimas](#)
ISSN: [0001-5504](#)
Páginas/Colación: p.24-33 : il.
Información Descriptiva: Ilustraciones

 [Resumen](#)

En: /  VER [ACTA CIENTÍFICA VENEZOLANA](#) Vol. 52, Nro. 1 2001

 [Referencias Analíticas](#)

 [Información de existencia](#)

Descriptor Temático: ● [PROTEÍNAS](#), ● [ELECTROFORESIS](#), ● [ISOENZIMAS](#), ● [VARIABILIDAD](#), ● [BIXA](#)

Nota

Fecha Ingreso =016 20050601 Documentalista Responsable =014 Yesika León

Resumen

"Para la identificación y determinación de la variabilidad genética de una población de 36 genotipos de onoto (Bixa orellana L.) colectados de cinco regiones del país (Oriente, Centro, Llanos, Andes y Amazonas) y del Brasil; se utilizaron patrones de proteínas hidrosolubles e isoenzimáticas específicos (a-esterasa, B-esterasa y peroxidasa), partiendo de semillas germinadas de onoto, con radículas de 10 a 15 mm de longitud. Cada sistema electroforético permitió la discriminación de genotipos con patrones de bandeo únicos: las proteínas hidrosolubles y el sistema electroforético B-esterasa con nueve patrones cada uno, mientras que a-esterasa y peroxidasa, discriminaron ocho y tres genotipos, respectivamente. Por otra parte, la combinación de todos los sistemas electroforéticos permitió una mayor discriminación lográndose identificar a 34 de los 36 genotipos de onoto evaluados. Con el análisis de agrupamiento se logró la formación de ocho grupos muy heterogéneos, con una divergencia genética de un 40 a 60 %, no existiendo correspondencia entre el agrupamiento geográfico y el enzimático, posiblemente debido a la influencia antrópica en la distribución aleatoria de este cultivo. Los resultados obtenidos indicaron que con los patrones electroforéticos, se puede establecer un sistema de clasificación para identificar genotipos y determinar la variabilidad genética existente en esta especie."

[Buscar por tipos de documentos](#)
[Forma general](#)

Exploración por: ● [Autor](#), ● [Título](#), ● [Descriptor Temático](#), ● [Palabras](#)

 [Regresar](#)

● [Formas registradas*](#)

[✉ Enviar un mensaje al Administrador del sistema](#) [✉ Enviar un mensaje a HACER Sistemas](#)

Centro de Documentación del FONACIT

Generados por el servidor 'www.cdc.fonacit.gob.ve' ejecutando Back-end Alejandría BE 6.0.2.0r ** *
(NTM) bajo el ambiente Microsoft-IIS/6.0.
usando una conexión ODBC (RowCount) al manejador de bases de datos..
Versión de la base de información Fonacit: 5.1.0 (con listas invertidas [2.0])

Cliente: 190.169.197.1
Salida con Javascript
